

**Федеральное государственное бюджетное научное учреждение
«УРАЛЬСКИЙ ФЕДЕРАЛЬНЫЙ АГРАРНЫЙ
НАУЧНО-ИССЛЕДОВАТЕЛЬСКИЙ ЦЕНТР
УРАЛЬСКОГО ОТДЕЛЕНИЯ РОССИЙСКОЙ АКАДЕМИИ НАУК»
(ФГБНУ УрФАНИЦ УрО РАН)**

В совет по защите диссертаций
Д 220.015.01 при ФГБУ
«Федеральный центр охраны здоровья
животных»
(ФГБУ «ВНИИЗЖ»)

ОТЗЫВ

на автореферат диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук **Ли Синьсинь** «Биологическое разнообразие и экологические особенности вирусов гриппа А, выделенных от диких птиц юга Западной Сибири в 2014-2018 годах» по специальности 03.02.02 – вирусология

Вопросы об эволюционной изменчивости, генетическом разнообразии и экологии вируса гриппа А на протяжении всего развития и становления вирусологии, как науки не теряют своей остроты и важности. Вирус гриппа А, по мнению экспертов ВОЗ, представляет собой глобальную социально-экономическую проблему. Для решения вопросов о методологии мониторинга и эффективном прогнозировании сценария эпидемической и эпизоотологической ситуации по гриппу А, не смотря на полномасштабные исследования, проводимые научным мировым сообществом, необходимо постоянное пополнение базы данных о патогенетических характеристиках возбудителя.

В связи с вышеизложенным, тематика научного исследования **Ли Синьсинь** «Биологическое разнообразие и экологические особенности вирусов гриппа А, выделенных от диких птиц юга Западной Сибири в 2014-2018 годах» актуальна и отвечает требованиям развития современной вирусологии.

Автором, **Ли Синьсинь** обоснована актуальность изучаемой проблемы, корректно сформулированы цель и задачи исследования, полноценно отражены научная новизна, теоретическая и практическая значимость выполненных исследований, материалы и методы исследований, представлены в компактном изложении результаты исследований и их обсуждение, выводы, практические предложения и перспективы дальнейшего развития научных исследований по теме диссертационной работы.

Научная новизна, теоретическая и практическая значимость. Диссертантом получены современные данные о циркуляции вирусов гриппа А в популяции диких птиц водно-болотной группы на территории юга Западной Сибири в период с 2014 по 2018 годы. Установлено, что выделенные изоляты вируса гриппа А относятся к 9 субтипам. Доминирующим субтипом вируса в описываемый период был H3N8 (58,14%). Впервые на территории Российской Федерации выделен H6N8-субтип гриппа А от серой утки, который филогенетически близок к штаммам выделенным в Китае и Бангладеш (Евразийская генетическая линия). Проведен генетический анализ 43 штаммов вируса гриппа А, полученные данные депонированы в базу GISAID. Штаммы вирусов гриппа А (10), выделенные от диких птиц депонированы в Государственную коллекцию возбудителей инфекций и риккетсиозов ФБУН ГНЦ ВБ «Вектор» Роспотребнадзора. Выделены два штамма H5N3 субтипа A/mallard/Chany/126K/2014(H5N3) и A/mallard/Chany/260U/2014(H5N3) и один штамм H1N1 субтипа A/gadwall/Chany/315/2016(H1N1), которые в настоящее время являются низкопатогенными, но по показателям внутреннего индекса IVPI=0 обладают эволюционной тенденцией в сторону увеличения патогенности. На основании результатов молекулярно-генетического и филогенетического анализа установлено, что выделенные штаммы генетически значительно отличаются от

